

Datenbanken und Tools

Die Wissenschaftlerinnen und Wissenschaftler des IPB entwickeln zahlreiche Ressourcen, Tools und Datenbanken für die Pflanzenforschung sowie Bio- und Chemoinformatik. Diese können als Download oder online genutzt werden.

Computerbasierte Massenspektrometrie



XCMS

C/MS und GC/MS Signalverarbeitung



CAMERA

Sammlung von annotationsbezogenen Verfahren für MS-Daten



MassBank

Tandem MS Referenzdatenbank





Leibniz-Institut für Pflanzenbiochemie
Stiftung des öffentlichen Rechts

MetFamily

Zur Identifizierung von regulierten Metabolitenfamilien.



Rdisop

Summenformel Berechnung



MetShot

Erfassung und Verarbeitung von Tandem Massenspektren im Hochdurchsatz



MetFrag

In-silico Metabolitenidentifikation

Bioinformatik





PaCeQuant

Ein Programm, das automatisch die Form von Blattepidermis-Zellen quantifiziert. PaCeQuant ist Teil der MiToBo-Erweiterung für Fiji/ImageJ.



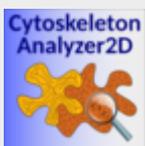
GoldenMutagenesis

Design von Primern für den Aminosäureaustausch und die Sättigungsmutagenese mit Golden-Gate-Klonierung.



cisHighlight

Visualisierung von cis-Elementen in Promotorsequenzen



CytoskeletonAnalyzer2D

Automatische Analyse und Quantifizierung von Strukturelementen in Mikroskopiebildern



FlagScreen

Kalibrierung von Aequorin-basierten Kalziummessungen



RootDetection

Ein Programm zur Erkennung von Wurzeln und Vermessung von Wurzellängen in Fotos von Pflanzenwurzeln.