

## Datenbanken und Tools

Die Wissenschaftlerinnen und Wissenschaftler des IPB entwickeln zahlreiche Ressourcen, Tools und Datenbanken für die Pflanzenforschung sowie Bio- und Chemoinformatik. Diese können als Download oder online genutzt werden.

### Computerbasierte Massenspektrometrie



**XCMS**  
C/MS und GC/MS Signalverarbeitung



**CAMERA**  
C/MS und GC/MS Signalverarbeitung



**MassBank**  
Tandem MS Referenzdatenbank



**MetFamily**  
Erkennung von Mustern in Metabolomdaten mit multivariater Statistik und Clustern ähnlicher Fragmentierungsmuster



**Rdisop**  
Summenformel Berechnung



**MetShot**  
Tandem Massenspektren im Hochdurchsatz



**MetFrag**  
In-silico Metabolitenidentifikation

### Bioinformatik



**cisHighlight**  
Visualisierung von cis-Elementen in Promotorsequenzen



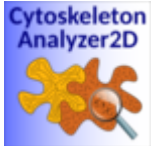
**Leibniz-Institut für Pflanzenbiochemie**  
Stiftung des öffentlichen Rechts

---



#### PaCeQuant

Ein Programm, das automatisch die Form von Blattepidermiszellen quantifiziert. PaCeQuant ist Teil der MiToBo-Erweiterung für Fiji/ImageJ.



#### Cytoskeleton Analyzer 2D

Automatische Analyse und Quantifizierung von Strukturelementen in Mikroskopiebildern



#### FlagScreen

Kalibrierung von Aequorin-basierten Kalziummessungen



#### RootDetection

Ein Programm zur Erkennung von Wurzeln und Vermessung von Wurzellängen in Fotos von Pflanzenwurzeln.

---

## Kontakt

Bei weiteren Fragen wenden Sie sich bitte an [Dr. Steffen Neumann](#).